

**MODELLO EUROPEO PER IL
CURRICULUM VITAE**



INFORMAZIONI PERSONALI

Nome **GRAZIA GALEANO**
Indirizzo
Telefono
E-mail **grazia.galeano@irccsdebellis.it**
Sesso **F**
Nazionalità **Italiana**
Data di nascita

ESPERIENZA LAVORATIVA

- 02/05/2023 ad oggi **Ricercatore Sanitario**
Nell'ambito del progetto "PNRR-MAD-2022-12375695", dal titolo "Prospective preclinical and clinical studies of gut microbiota, intestinal barrier, and related blood metabolites, following traumatic brain injury for developing prognostic biomarkers of chronic neurological sequelae, and for identifying targets to preve", presso UO Disturbi Funzionale dell' I.R.C.C.S. "S. De Bellis" Castellana Grotte
- 25/07/2022-25/04/2023 **Borsista di Ricerca**
Nell'ambito del progetto "CT_UNIME_GOM_2021_2023", sulla tematica "Caratterizzazione del microbioma ambientale e della diffusione dei geni correlati alla resistenza antimicrobica negli ambienti ospedalieri", presso il laboratorio di Genetica Microbica e Micologia Molecolare del Dipartimento di Scienze Chimiche, Biologiche, Farmaceutiche ed Ambientali dell'Università degli Studi di Messina
- 24/01/2019-24/05/2022 **Borsista di Ricerca**
Nell'ambito del programma di Dottorato di Ricerca in Scienze Veterinarie XXXIV° ciclo, presso il laboratorio dell'Unità di Genomica animale del Dipartimento di Scienze Veterinarie dell'Università degli Studi di Messina
- 18/11/2019-2/12/2019 **Visiting Resercher**
presso il "College of Veterinary Medicine, South China Agricultural University, Wushan Road, Tianhe District, Guangzhou, nell'ambito del programma di Dottorato di Ricerca in Scienze Veterinarie
- 10/03/2018-22/12/2018 **Attività di studio e di ricerca post laurea**
presso il laboratorio di Genetica del Dipartimento di Scienze Chimiche, Biologiche, Farmaceutiche ed Ambientali dell'Università degli Studi di Messina.
- 2016- 2018 **Tirocinio Universitario:**
Internato presso il laboratorio di Genetica del Dipartimento di Scienze Chimiche, Biologiche, Farmaceutiche ed Ambientali dell'Università degli Studi di Messina, per lo svolgimento della tesi sperimentale in Bioinformatica per l'analisi genetica.

ESPERIENZE INERENTI ALL'ATTIVITÀ DIDATTICA

06/05/2022

Attività Didattica

Attività di esercitazioni pratiche di laboratorio riguardante il seguente argomento "Metodi di identificazione fenotipica mediante analisi microscopica di microrganismi eucariotici" della durata di n° 5 ore, nell'ambito del progetto PCTO "Insieme per nuovi orizzonti" attuato dal Dipartimento di ChiBioFarAm dell'Università degli Studi di Messina con l'Istituto d'Istruzione Superiore "Borghese Faranda", Patti (ME)

28/04/2022

Attività Didattica

Lezione dal titolo "Microrganismi eucariotici: i funghi microscopici nell'ambiente e nelle infezioni" della durata di n° 2 ore nell'ambito del progetto PCTO "Insieme per nuovi orizzonti" attuato dal Dipartimento di ChiBioFarAm dell'Università degli Studi di Messina con l'Istituto d'Istruzione Superiore "Borghese Faranda", Patti (ME)

Istruzione e formazione

24/05/2022

Dottorato di Ricerca in Scienze Veterinarie

Università degli Studi di Messina, Messina (Italia)
Titolo tesi: "Caratterizzazione del microbiota intestinale nell'Asino Ragusano"
Voto: **ottimo con lode**

2018

Abilitazione Professionale Biologo

Università degli Studi di Messina, Messina (Italia)
Voto: **150/200**

08/03/2018

Laurea Magistrale in Biologia LM-6

Università degli Studi di Messina, Messina (Italia)
Tesi in Bioinformatica per l'analisi genetica: "Genotipizzazione dei ceppi clinici ed ambientali di *Candida tropicalis* mediante sequenziamento multigenico"
Voto: **110/110 cum laude**

27/07/2015

Laurea Triennale in Scienze Biologiche L-13

Università degli Studi di Messina, Messina (Italia)
Tesi in Fisiologia: "AMPK: Regolazione e controllo del metabolismo energetico"
Voto: **101/110**

2001

Maturità Classica

Liceo Classico Statale "M. Amari", Giarre
Voto: **76/100**



**CAPACITÀ E COMPETENZE
PERSONALI**

MADRELINGUA

Italiana

ALTRE LINGUE

- Capacità di lettura
- Capacità di scrittura
- Capacità di espressione orale

Inglese

Buona

Buona

Buona

**CAPACITÀ E COMPETENZE
RELAZIONALI E ORGANIZZATIVE**

Capacità empatiche e di ascolto con una buona predisposizione ai rapporti con gli altri.

Buona attitudine al lavoro in team.

Ottima flessibilità al lavorare in diversi settori scientifico disciplinari con persone e gruppi diversi, competenza acquisita grazie alle collaborazioni multidisciplinari in ambito accademico.

Buone competenze gestionali per il lavoro in laboratorio e di problem solving.

Buone capacità di pianificazione e di organizzazione del lavoro in modo tale da portare a termine gli obiettivi e rispettare le scadenze. Svolgo le attività sperimentali assegnatemi in modo autonomo ed ho esperienza nella gestione di piccoli gruppi di lavoro.



**CAPACITÀ E COMPETENZE
TECNICHE**

Buone conoscenze relative alle metodologie in Microbiologia e Micologia sia a livello di tecniche di base classiche che di tipo molecolare.

Tecniche di microbiologia classica: coltivazione di cellule fungine e batteriche. Preparazione di terreni di coltura, semplici, complessi e selettivi.

Identificazione di microrganismi mediante analisi fenotipiche, biochimiche e sierologiche. Riconoscimento fenotipico di muffe, studio della sensibilità in vitro agli antimicrobici.

Tecniche d'identificazione e determinazione di microrganismi aerodispersi mediante campionamento attivo con Surface Air System (SAS) e MD8 per il monitoraggio microbiologico per la valutazione della qualità dell'aria.

Tecniche microbiologiche per il controllo e la qualità di campioni d'acqua mediante filtrazione con apparati filtranti, conta microbica su filtro, identificazione dei principali microrganismi indicatori di contaminazione quali coliformi totali e fecali, streptococchi fecali, *Pseudomonas aeruginosa*, *Legionella pneumophila*.

Tecniche microbiologiche per il controllo della carica microbica di superfici tramite il campionamento con piastre da contatto rodac e tamponi con liquido isototonico sterile.

Tecniche di biologia molecolare: estrazione di acidi nucleici da campioni ambientali e clinici quali feci, sangue, tessuti. Amplificazione in vitro del DNA (PCR). Tecniche di purificazione di acidi nucleici batterici e fungini da campioni ambientali e clinici.

Tecniche di sequenziamento standard di Sanger.

Tecniche bioinformatiche: analisi bioinformatiche dei dati NGS applicate allo studio dei microbiomi, analisi di elettroferogrammi, tecniche di genotipizzazione MLST (Multi Locus Sequence Typing).

COMPETENZE INFORMATICHE

Ottima padronanza padronanza di utilizzo dei principali software di grafica, elaborazione dati, analisi statistica e gestione bibliografica. (Photoshop, SPSS, GraphPad, ImageJ, suite Microsoft Office). Conoscenza e utilizzo di database, software e web server per il disegno e l'analisi di sequenze nucleotidiche.

PATENTE

B



RELATORE A CONVEGNI/ CONGRESSI NAZIONALI

23 Novembre 2023 Resistenza antibiotica di *Helicobacter pylori*: aspetti molecolari.
18° Forum Risk Management in Sanità, Arezzo

PARTECIPAZIONE A CONGRESSI E CORSI FORMATIVI

Partecipazione al 20° Congresso ISHAM Resistenza antibiotica di *Helicobacter pylori*: aspetti molecolari (International Society for Human and Animal Micology) Netherlands, 30Giugno - 4Luglio/ 2018

Partecipazione al corso: "Le nuove frontiere del sequenziamento NGS: tecnologie e prodotti a confronto" Catania, 18Maggio/ 2017

Partecipazione al 6° Congresso ISHAM (International Society for Human and Animal Micology) "Working Groups on Black Yeast and Chromoblastomycosis Viterbo, 15- 17Settembre/ 2016

Partecipazione al corso: "Next Generation Sequencing and Bioinformatics: Methodos, Tools and Applications in Basic Research, Clinical Diagnostics and Much More" Messina, 27- 28 Maggio 2016



PROCEEDING SU ATTI DI CONVEGNO

- 2022 **EXPLORING THE FECAL MICROBIOTA OF RAGUSANO DONKEY**
V. Florida, G. Galeano, L.Giuffrè, A. Zumbo, O. Romeo, E. D'Alessandro
75° Congresso SISVET (Società Italiana delle Scienze Veterinarie) Lodi, 15-18 giugno
2022 (Atti Congressuali In Press)
- 2018 **Molecular surveillance of healthcare-associated Candida infection in
rehabilitation center for patients with severe acquired brain injuries.**
F. Scordino, G. Galeano, M.G. Orlando, G. Barberi, D. Giosa, L. Giuffrè, F. Marino
Merlo, G. Criseo, O. Romeo
20° Congresso ISHAM (International Society for Human and Animal Micology)
Netherlands, 30Giugno - 4Luglio/ 2018 (Atti Congressuali In Press)

ARTICOLI SU RIVISTE INTERNAZIONALI

- 17/06/2022 Dougue AN, El-Kholy MA, Giuffrè L, Galeano G, D'Aleo F, Kountchou CL,
NangwatC, Paul DJ, Giosa D, Pernice I, Shawky SM, Ngouana TK, Boyom FF,
Romeo O. Multilocus sequence typing (MLST) analysis reveals many novel
genotypes and a high level of genetic diversity in *Candida tropicalis* isolates
from Italy and Africa. *Mycoses*. 2022 Jun 17. doi: 10.1111/myc.13483. Epub
ahead of print. PMID:35713604.
- 12/09/2021 Letterio Giuffrè, Domenico Giosa, Grazia Galeano, Riccardo Aiese Cigliano,
Andreu Paytuví-Gallart, Anna Maria Suter, Giuseppe Tardiolo, Alessandro
Zumbo, Orazio Romeo & Enrico D'Alessandro (2021) Whole-metagenome
shotgun sequencing of pig faecal microbiome, *Italian Journal of Animal Science*,
20:1, 1147-1155, DOI: 10.1080/1828051X.2021.1952910
- 18/08/2021 Wang X, Chen Z, Murani E, D'Alessandro E, An Y, Chen C, Li K, Galeano G,
Wimmers K, Song C. A 192 bp ERV fragment insertion in the first intron of
porcine TLR6 may act as an enhancer associated with the increased
expressions of TLR6 and TLR1. *Mob DNA*. 2021 Aug 18;12(1):20.
doi:10.1186/s13100-021-00248w. PMID: 34407874; PMCID: PMC8375133



Dichiaro che le informazioni riportate nel presente Curriculum Vitae sono esatte e veritiere. Autorizzo al trattamento dei dati personali, secondo quanto previsto dalla Legge 196/03.

Data: Castellana Grotte, 23/12/2023

Firma

Grazia Galeano

